程蓬个人简历

**一、个人基本信息**

姓名：程蓬 性别：女 出生年月：1981年1月

国籍及籍贯：中国湖北黄石

最后学历学位：博士

毕业时间及学校：2012年7月毕业于美国华盛顿州立大学

所从事的专业：植物病理学

现从事专业及研究方向： 植物病理学、分子育种学

现任职单位：美国密苏里大学博士后

**二、教育经历**

1999.9-2003.7 华中科技大学生命科学院 本科

2004.8-2006.5 美国华盛顿州立大学分子植物学系 博士学习

2006.9-2008.11美国华盛顿州立大学植物病理系 硕士

2008.12-2012.7 美国华盛顿州立大学植物病理系 博士

**三、主要工作经历**

2012.9-2014.3美国华盛顿州立大学作物与土壤科学系 博士后

2014.4-2016.12 美国密苏里大学植物科学系 博士后

**四、所取得的主要学术成果**

1.Development and characterization of expressed sequence tag-derived microsatellite markers for the wheat stripe rust fungus Puccinia striiformis f. sp. tritici. Molecular Ecology Resources. 2012, 12:779-781 Cheng P, Chen XM\*, Xu LS, See DR. (影响因子5.298，引用次数14，生物学2区)

2.Genetic mapping and haplotype analysis of a locus for quantitative resistance to Fusarium graminearum in soybean accession PI 567516C. Theoretical and Applied Genetics. 2017, 1:12 DOI 10.1007/s00122-017-2866-8 Cheng P, Gedling CR, Patil G, Vuong TD, Shannon JG, Dorrance AE\*, Nguyen HT\*. (影响因子3.900，引用次数0，农艺学1区)

3.Molecular mapping of Yr64 and Yr65 for stripe rust resistance in durum wheat germplasm accessions PI 331260 and PI 480016. Theoretical and Applied Genetics. 2014, 127: 2267-2277 Cheng P, Xu LS, Wang MN, See DR, Chen XM\*. (影响因子3.900，引用次数21，农艺学1区)

4.Molecular mapping of a gene for stripe rust resistance in spring wheat cultivar IDO377s. Theoretical and Applied Genetics. 2010, 121:195-204 Cheng P, Chen XM\*. (影响因子3.900，引用次数40，农艺学1区)

5.Grass hosts harbor more diverse isolates of Puccinia striiformis than cereal crops. Phytopathology. 2015, 106:362-371. Cheng P, Chen XM\*, See DR. (影响因子3.119，引用次数1，农林科学1区)

6.Virulence and molecular analyses support asexual reproduction of Puccinia striiformis f. sp. tritici in the U.S. Pacific Northwest. Phytopathology. 2014, 104:1208-1220. Cheng P, Chen XM\*. (影响因子3.119，引用次数10，农林科学1区)

7.Association mapping for agronomic and quality traits in USDA Pea Single-Plant collection. Molecular Breeding. 2015, 35:1-13 Cheng P, Holdsworth W, Ma Y, Coyne CJ, Mazourek M, Grusak MA, Fuchs S, McGee RJ\*. (影响因子2.246，引用次数6，农艺学2区)

8.Development of a panel of unigene-derived polymorphic EST–SSR markers in lentil using public database information. The Crop Journal. 2016, 4:425-433. Sen Gupta D, Cheng P (co-first author), Sablok G, Thavarajah D, Thavarajah P, Coyne CJ, Kumar S, Baum M, McGee RJ\*.

**五、来校后拟开展的研究工作**

以我国西北地区主要作物的代表性真菌病害如小麦条锈病和白粉病为研究对象，开展其抗病基因的精细定位和分子作用机制的研究：（1）小麦白粉病及条锈病抗病基因的精细作图；（2）抗白粉及条锈基因的克隆和抗病机制研究；（3）抗病基因的聚合和组合测试。